

# アンチトキシンの発現抑制による カウンターセレクション法の開発

SATテクノロジー・ショーケース2017

## ■ はじめに

大腸菌は、宿主-ベクター系が整備されており、遺伝子工学で最も頻用されている微生物宿主である。大腸菌の形質転換体は、栄養要求性や抗生物質耐性に基づき選択される場合が多い。特に後者は広く用いられる方法であり、その種類も、アンピシリン、カナマイシン、クロラムフェニコール、トリメトプリム、スペクチノマイシン、ストレプトマイシン、リファンピシンなど、作用点や作用機序の異なるものが豊富に存在する。

一方、形質転換体から特定の遺伝子断片やそれを含むベクターを除去する為の手法は、カウンターセレクション(あるいはネガティブセレクション)法として知られる。カウンターセレクションマーカーとしてはチミジンキナーゼやPheS、SacBなどが知られているが、ポジティブセレクションマーカーに比べ、その種類は少ない。

合成生物学の発展に伴い、複数のベクターを自在に出し入れするというニーズは拡大すると想像され、カウンターセレクションマーカーの拡充は重要な技術要素の一つであると言える。このような現状を踏まえ、新しい原理に基づくカウンターセレクションシステムの開発を試みた。特に、トキシン-アンチトキシン(TA)システムに着目し、アンチトキシン遺伝子の発現を抑制する方法により、トキシンの効果を顕在化させることで細胞死を誘導した。

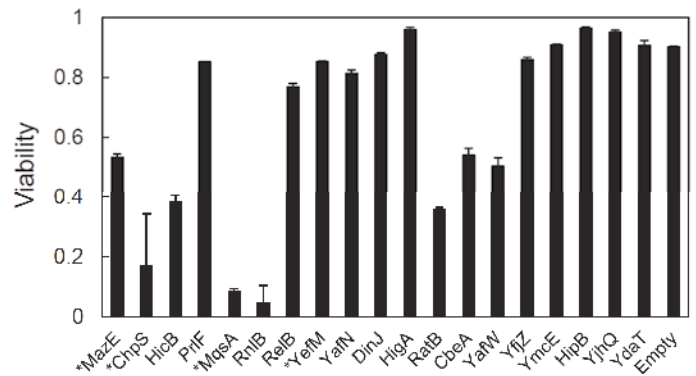
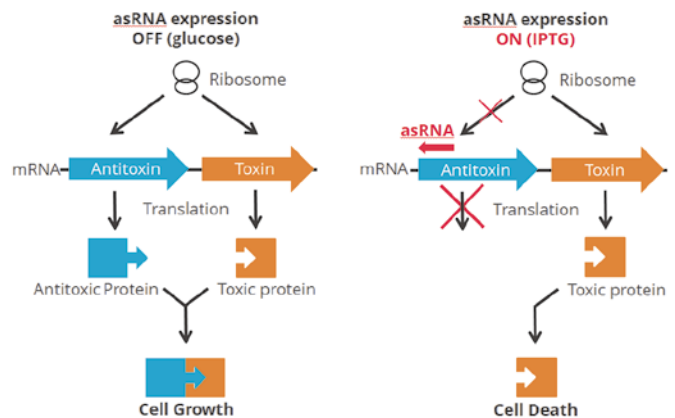
## ■ 活動内容

大腸菌の生育必須遺伝子の中にはTAシステムのアンチトキシン遺伝子も含まれている。TAシステムは、トキシンの毒性の中和方法によって、5つに大別される。大腸菌ではType II が最も多く、トキシン遺伝子とアンチトキシン遺伝子がオペロン構造を取っている。平常時はトキシンとアンチトキシンの発現量バランスが維持されているため、トキシンは中和されている。

このバランスを破綻させること、「トキシンの過剰発現」または「アンチトキシンの発現抑制」により、細胞死を誘導できると考えた。後者を利用したカウンターセレクションの報告はない。前者を利用した方法ではトキシン遺伝子の僅かな発現漏れにより遺伝子のクローニングが困難な場合があるのに対して、後者では、アンチトキシン遺伝子の発現漏れが細胞の表現型に大きな影響を与える可能性が低いと思われる。「アンチトキシンの発現抑制」にはアンチセンスRNA(asRNA)を適応した。asRNAを標的遺伝子(アンチトキシン遺伝子)のmRNAに相補的な配列を持

つように設計することで、細胞質内にasRNAが存在すると、相補的なmRNAと塩基対を形成して翻訳を妨げ、標的遺伝子の発現を抑制できる。

以上にに基づき、まず、大腸菌ゲノムにコードされたType II に属するアンチトキシン全てのmRNAに対してasRNAを設計した。次に、それらのasRNA遺伝子を発現ベクターに組み込み、発現誘導することで、高い致死効果を示すasRNAを評価した。なお、発現誘導にはイソプロピル-β-チオオガラクトピラノイド(IPTG)を用いた。



\*: MetaCyc database にて生育に必須として報告されている

## ■ 関連情報等(論文)

Tsukuda, M. Nakashima, N. and Miyazaki, K. (2015) Counterselection method based on conditional silencing of antitoxin genes in *Escherichia coli*. *J. Biosci. Bioeng.* 120, 591-595.

- キーワード: (1)カウンターセレクション  
(2)トキシン-アンチトキシンシステム  
(3)アンチセンス RNA

代表発表者 **野沢 汎 (のざわ はん)**  
 所属 **東京大学大学院 新領域創成科学研究科  
 産業技術総合研究所 生物プロセス研究部門**  
 問合せ先 **宮崎 健太郎 (みやざき けんたろう)**  
 〒305-8566 つくば市東1-1-1 第6-9 224 室  
 TEL:029-861-6033 FAX:029-861-6033